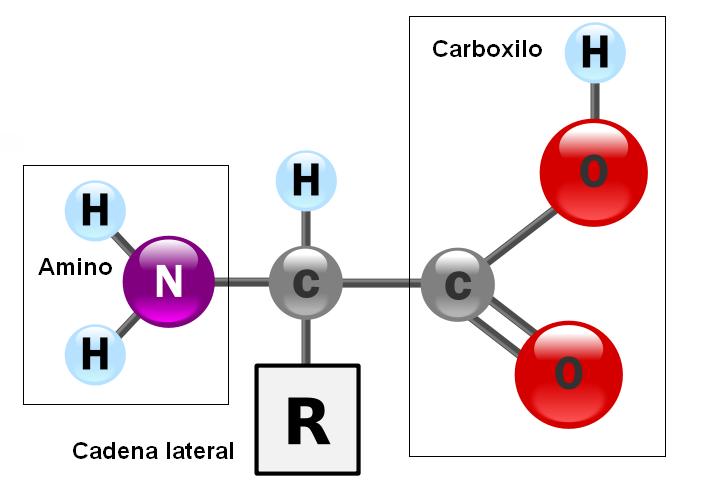
TEMA 4. LAS PROTEINAS.

1. Introducción.

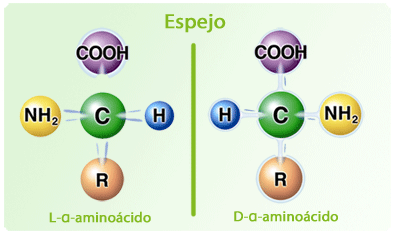
* La palabra proteína proviene del griego “proteios” que significa “primero”. Esto alude a la importancia de estas biomoléculas que son esenciales para los seres vivos.
* Por una parte participan en todas las funciones y procesos que estos realizan y por otra constituyen a nivel estructural alrededor del 50 % de la materia viva.
* Podemos afirmar que la vida, tal y como la conocemos, no es posible sin proteínas.
* Están formadas por C, H, O, y N, en menor proporción S y P y a veces otros elementos como Fe, Cu, etc.
* Son polímeros formados por la unión de unidades más sencillas llamadas aminoácidos.
* Los enzimas son la clase más numerosa y especializada de proteínas. Están dotados de actividad catalítica y aceleran las reacciones que constituyen el metabolismo celular.

1. Los aminoácidos.

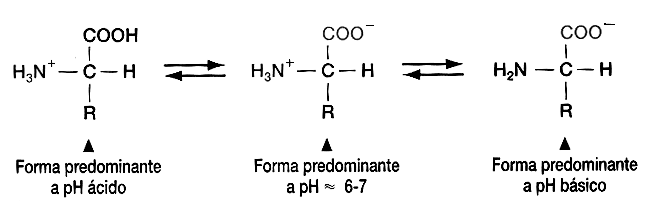
* Son los monómeros que constituyen las proteínas. Se conocen unos 200 pero sólo 20 forman parte de las proteínas.
* Estos se denominan aminoácidos proteicos y son los mismos en todos los seres vivos. Su abreviatura es aa.
* Son moléculas pequeñas con peso molecular comprendido entre 75 y 200 que presentan un grupo amino, un grupo carboxilo, un átomo de hidrógeno y una cadena lateral más o menos compleja, unidos a un mismo carbono.
* Dicho carbono es asimétrico y se denomina carbono α por ello los aminoácidos proteicos se designan como α-aa.

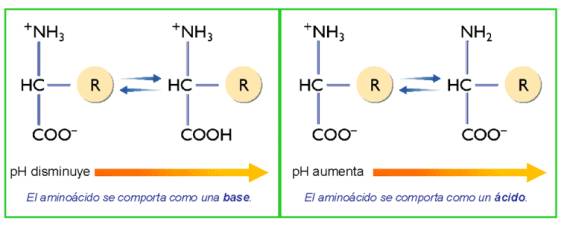


* 1. Propiedades.
* Son solubles en agua, cristalizables e incoloros. Su punto de fusión es superior a 200 º C por lo que son sólidos y presentan estereoisomería, actividad óptica y comportamiento anfótero.
* Estereoisomería. Todos a excepción de la glicina presentan un carbono asimétrico. Esto permite diferenciar dos estereoisómeros según la conformación espacial de la molécula. Si tienen el grupo amino a la derecha son D-aa y si este se sitúa a la izquierda son L-aa. Los aa proteicos son todos L-aa. Los estereoisómeros son imágenes especulares o enantiómeros.

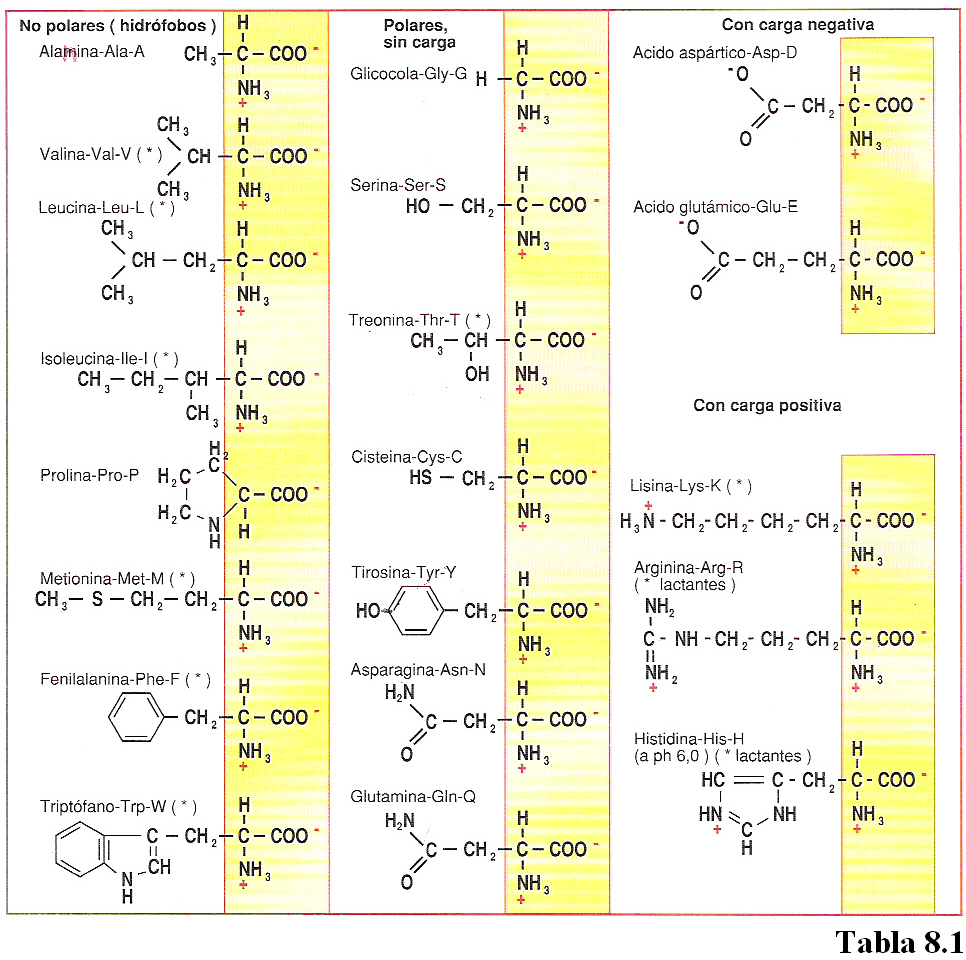


* Actividad óptica. El carbono asimétrico permite desviar un rayo de luz polarizada al pasar este por una disolución del aa. Si lo desvían hacia la derecha serán dextrógiros o (+) y si lo hacen hacia la izquierda levógiros o (-). Esta característica es independiente de la configuración D o L.
* Comportamiento anfótero. Los aas son sustancias anfóteras porque en disolución acuosa se comportan como ácidos o como bases dependiendo del pH de la disolución. Esto se debe a la presencia simultánea del grupo carboxilo y del grupo amino.
  + Medio neutro. Los aas están ionizados formando iones dipolares. El carboxilo pierde un protón y se carga negativamente. El amino lo gana y queda con una carga positiva.
  + Medio ácido. Hay muchos protones H+ y pH es bajo. El carboxilo capta un protón, el aa se comporta pues como una base y queda con una carga positiva..
  + Medio básico. Hay pocos protones H+ y el pH es alto. El amino libera un protón, el aa se comporta como un ácido y queda con una carga negativa.
  + El pH al que un aa queda neutro se denomina punto isoeléctrico. El carácter anfótero de los aas les permite actuar como sistemas tampón evitando que se produzcan en los organismos peligrosas variaciones de pH.





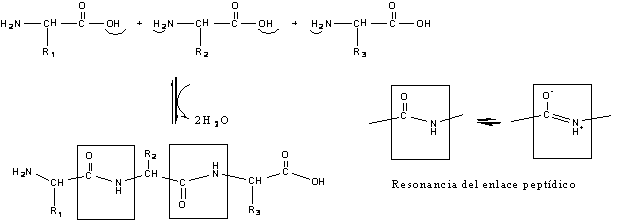
* 1. Clasificación.
* Según la naturaleza de sus cadenas laterales se dividen en cuatro grupos:
* Neutros apolares. Poseen una cadena lateral hidrocarbonada de carácter hidrófobo lo cual disminuye su solubilidad. A pH = 7 su carga neta es 0. Estos son: alanina, valina, leucina, isoleucina, fenilalanina, triptófano, metionina y prolina.
* Neutros polares. La cadena lateral es hidrófila, con grupos polares como – OH, -NH2 o –HS, que les permiten formar puentes de hidrógeno con las moléculas de agua. A pH = 7 su carga es 0. Estos son: serina, treonina, cisteína, tirosina, asparagina, glutamina y glicina. Este grupo es fundamental para establecer puentes de hidrógeno en la estructura proteica, además los radicales de la cisteína pueden formar puentes disulfuro ( -S-S- ).
* Ácidos. La cadena lateral lleva un grupo carboxilo ionizado por lo que su carga a pH neutro es negativa. Son el ácido glutámico y el ácido aspártico.
* Básicos. El radical contiene un grupo amino ionizado por lo que su carga neta a pH 7 es positiva. Son la lisina, la arginina y la histidina.
* Algunos aas no pueden ser sintetizados por el organismo y han de ser ingeridos con el alimento. Estos se denominan aas esenciales.
* En la especie humana son ocho: histidina, isoleucina, leucina, lisina, metionina, fenilalanina, treonina, triptófano y valina



1. El enlace peptídico.

* Es el enlace que une los aas para formar los péptidos y las proteínas.
* Se forma entre el grupo carboxilo de un aa y grupo amino del siguiente liberándose una molécula de agua.
* Estos enlaces se rompen por hidrólisis y las cadenas peptídicas o proteicas se desdoblan en los aas que las componen.
* La hidrólisis se realiza por métodos químicos (álcalis, ácidos, etc.) o mediante enzimas proteolíticos llamados proteasas.

Ejercicio. Formación del tripéptido Ala-Gly-Ser.

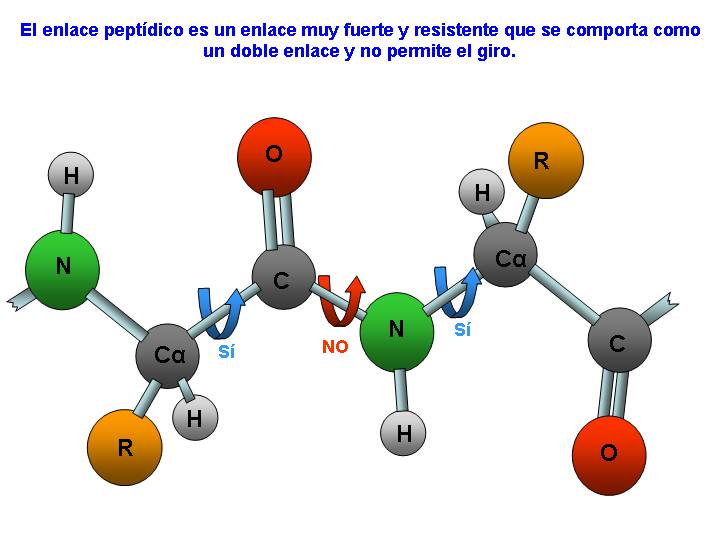


* Según el número de aas que los forman los péptidos se dividen en dos grupos:
  1. Oligopéptidos. Tienen entre 2 y 10 aas y se nombran anteponiendo el prefijo numeral al término péptido.
  2. Polipéptidos. Contienen más de 10 aas. Cuando el peso molecular supera los 5000 se denominan proteínas. Estas suelen tener desde más de 50 a cientos de aas, a veces más de mil, por lo que su peso molecular es muy elevado, entre 5.000 más de un millón. Muchas proteínas están formadas por varias cadenas polipetídicas.
* El enlace peptídico presenta las siguientes características:
  1. Es un enlace covalente de tipo amida.
  2. Tiene carácter parcial de doble enlace, esto hace que sea rígido e impide que los átomos que lo forman puedan rotar.

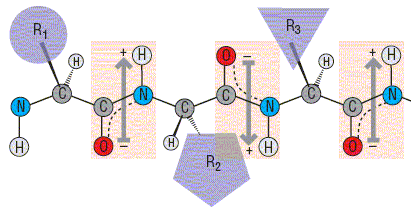
Por ello el C del carboxilo, el N del amino y O e H que están unidos a ellos permanecen en un mismo plano.

Esta propiedad se denomina resonancia y se debe a que una pareja de electrones se desplaza constantemente del grupo carbonilo a tal enlace.

* 1. Los enlaces del Cα si pueden girar generando en el péptido una disposición en zig-zag.
  2. El O del carbonilo y el H del amino se sitúan siempre en lados opuestos del enlace, en configuración trans.



* La cadena de aas presenta un esqueleto formado por enlaces peptídicos y Cα de los cuales parten los distintos radicales.
* Tales radicales se situan alternativamente hacia arriba y hacia abajo del eje de la cadena.
* Dicha cadena no está ramificada pero si orientada pues sus extremos no son iguales. En uno encontramos un grupo α-amino libre, que señala el inicio del péptido, y en otro un α-carboxilo que indica el final.

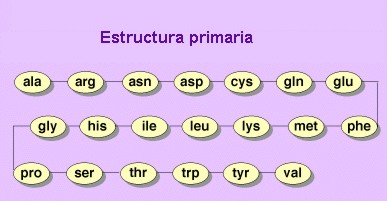


1. Las proteínas y su estructura.

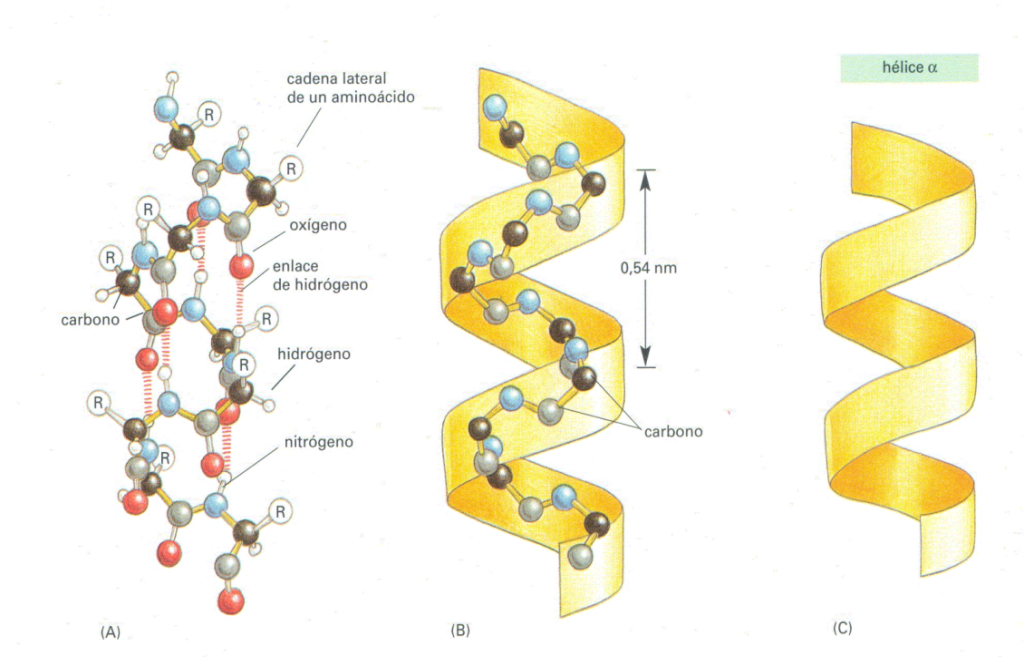
* Las proteínas adoptan una determinada configuración espacial de la que depende su función.
* En tal conformación se diferencian cuatro niveles estructurales: estructura primaria, estructura secundaria, estructura terciaria y estructura cuaternaria.



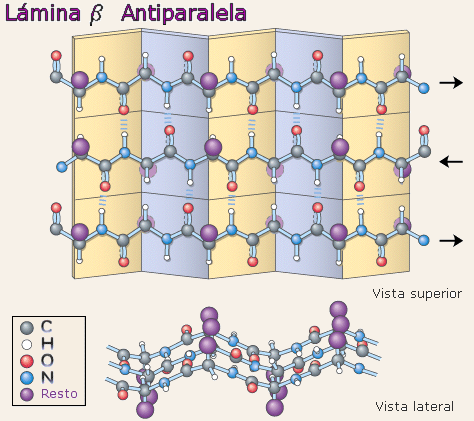
* 1. La estructura primaria.
* Es la secuencia lineal de aas que forma la proteína.
* Nos indica el número y tipos de aas que la componen y el orden en que estos se disponen.
* Esta estructura viene determinada genéticamente pues está definida en los genes y de ella dependen los demás niveles estructurales.
* Podemos afirmar que no tiene entidad real pues a medida que la proteína se sintetiza se va replegando adoptando estructuras superiores.



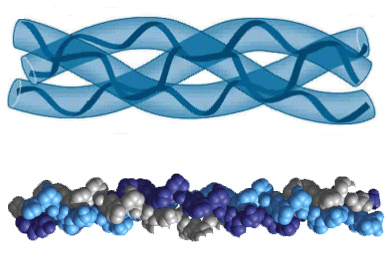
* 1. La estructura secundaria.
* Es la disposición que adopta en el espacio la cadena de aas.
* Se debe a la capacidad de rotación de los enlaces de los Cα y a la formación de puentes de H.
* Distinguiremos tres estructuras secundarias: α-hélice, β-lámina plegada y hélice de colágeno.
* La α-hélice.
* Se produce al enrollarse helicoidalmente la cadena polipeptídica sobre sí misma en sentido dextrógiro.
* Los giros se producen en los Cα y en cada vuelta de hélice entran 3,6 aas.
* Las cadenas laterales se sitúan hacia el exterior de la hélice y ésta se mantiene debido a la formación de puentes de hidrógeno intracatenarios.
* Estos enlaces se establecen entre grupos N-H y C=O de enlaces peptídicos separados por cuatro aas en la secuencia lineal y que debido al enrollamiento se encuentran enfrentados.
* La estructura α-hélice es característica de las proteínas fibrosas pero también aparece en las proteínas globulares.
* Las α-queratinas que forman pelos, lana, cuernos y uñas presentan estructura en α-hélice.
* En la queratina del pelo y de la lana se forma una estructura supersecundaria que origina fibrillas. Esta se produce por el enrollamiento de varias cadenas α-hélices, que discurren de forma paralela y se unen por puentes disulfuro.
* Estas proteínas se estiran al someterlas a temperaturas relativamente altas porque se rompen los enlaces de hidrógeno. Este es el fundamento del alisamiento del pelo con calor que recupera su forma original al poco tiempo y/o en cuanto se humedece.



* La lámina β o lámina plegada.
* Se produce cuando fragmentos de la misma cadena se disponen paralelos (con igual sentido) o antiparalelos (con sentidos contrarios) en zig-zag.
* La estructura se mantiene al crearse puentes de hidrógeno entre grupos N-H y C=O de enlaces peptídicos que quedan enfrentados.
* Las cadenas laterales se disponen alternativamente a uno y otro lado de la lámina.
* Esta estructura aparece en las β-queratinas que forman la seda, las fibras de arácnidos o las garras y picos de reptiles y aves. También aparece en numerosos tramos de muchas proteínas globulares.
* A veces fragmentos de cadenas diferentes pueden asociarse generando esta estructura.



* La triple hélice de colágeno.
* El colágeno es una proteína muy abundante en los animales pues aparece en los tejidos conjuntivos, cartílagos, tendones, piel, paredes de vasos sanguíneos, etc. y presenta una estructura secundaria característica diferente a las anteriores.
* Cada molécula de colágeno está formada por tres cadenas polipeptídicas cada una de las cuales presenta un cierto enrollamientoen hélice pero muy extendido.
* Estas tres cadenas, unidas por puentes de hidrógeno y arrolladas sobre sí mismas, forman una hélice muycompacta: la superhélice de colágeno de tres hebras.



* Cada cadena es una hélice levógira que constituye la verdadera estructura secundaria y contiene unos 3 aas por vuelta.
* Tres de ellas se asocian mediante puentes de hidrógeno formando una superhélice dextrógira con estructura terciaria y cuaternaria.
* Todas las proteínas poseen estructura secundaria aunque algunos fragmentos de la cadena polipeptídica pueden carecer de los plegamientos antes indicados.
  1. La estructura terciaria.
* Es la disposición que adopta en el espacio la estructura secundaria. Nos indica la configuración tridimensional de la proteína (conformación).
* Existen dos tipos de conformaciones:
  1. Globular. La forma tridimensional es compacta y más o menos esférica. Estas proteínas son solubles y tienen funciones dinámicas. Un ejemplo es la mioglobina.
  2. Fibrosa. La estructura secundaria no se pliega y la proteína tiene forma alargada en cuya definición adquiere más importancia el nivel estructural anterior. Estas proteínas son insolubles y realizan funciones estructurales como ocurre en la fibroina o el colágeno.
* La estructura terciaria se mantiene gracias a diferentes tipos de enlaces que se establecen entre los radicales de los aas. Estos enlaces son:
  1. Interacciones electrostáticas. Entre las cargas de los aas ácidos y básicos.
  2. Puentes de hidrógeno. Entre cadenas laterales polares.
  3. Fuerzas de Van der Waals. Entre pequeñas cargas fluctuantes.
  4. Interacciones hidrofóbicas. Entre cadenas apolares que tienden a agruparse al ser rechazadas por el agua.
  5. Puentes disulfuro. Es el único enlace covalente y se forma entre radicales de cisteínas que quedan enfrentados.